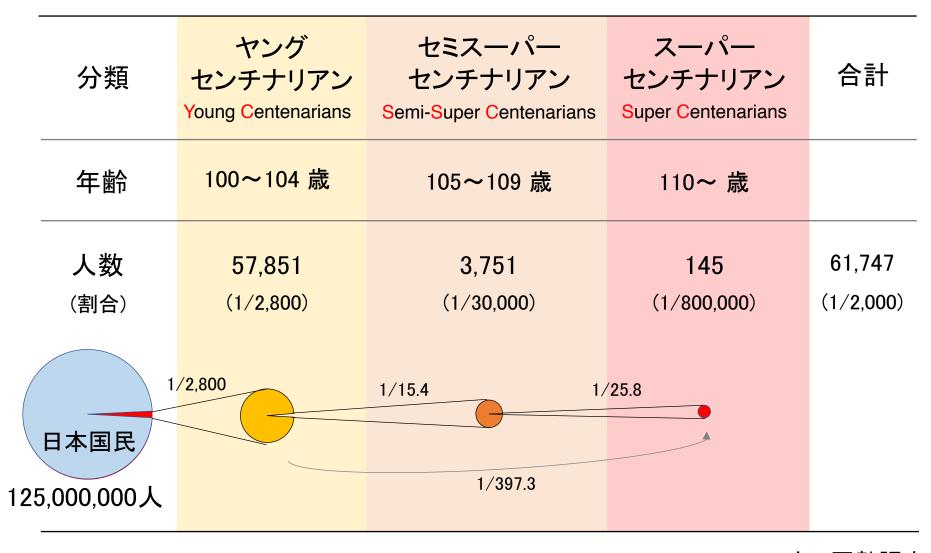




全ゲノム解析データを用いた 日本人超長寿者ゲノム相関解析

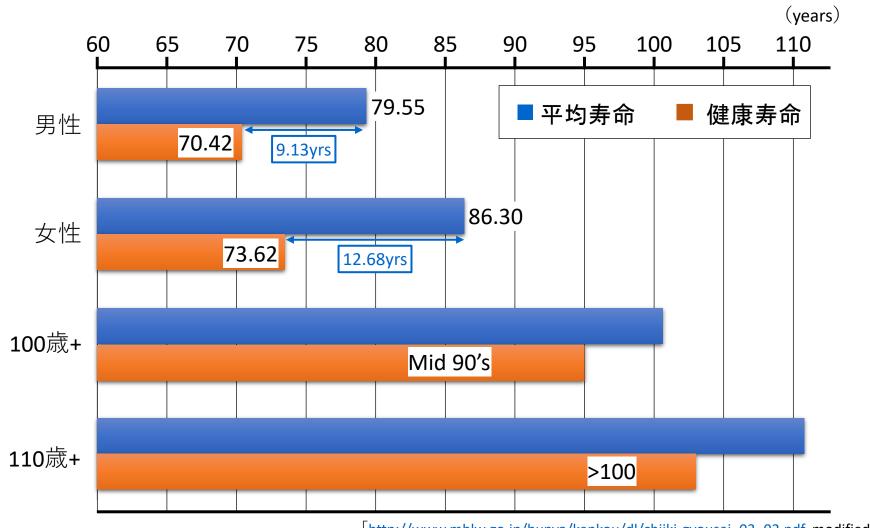
慶應義塾大学医学部百寿総合研究センター 佐々木 貴史

110歳を超える超百寿者(スーパーセンチナリアン)は80万人に1人



2015年 国勢調査

百寿者(センチナリアン)は長い健康寿命を有する

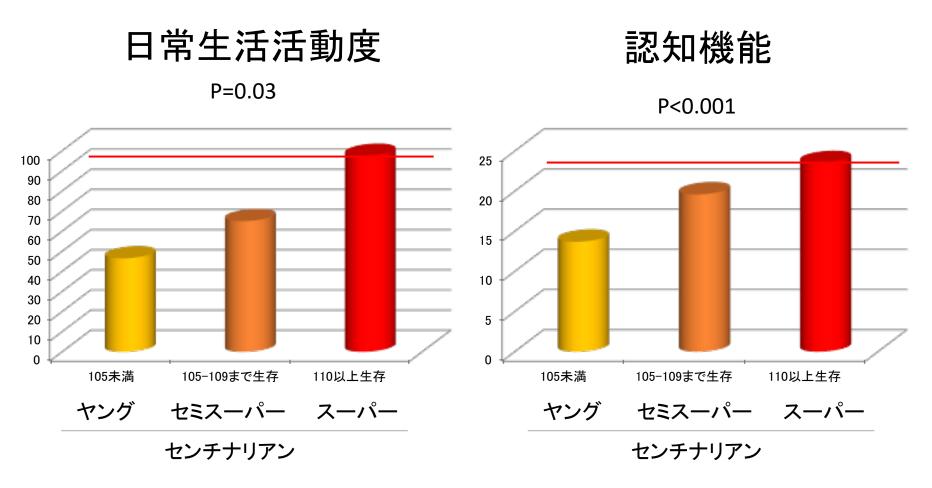


[http://www.mhlw.go.jp/bunya/kenkou/dl/chiiki-gyousei_03_02.pdf, modified

→ 百寿者から"健康長寿"の秘訣を学ぶ

スーパーセンチナリアンは100歳時に高い認知機能を保っている

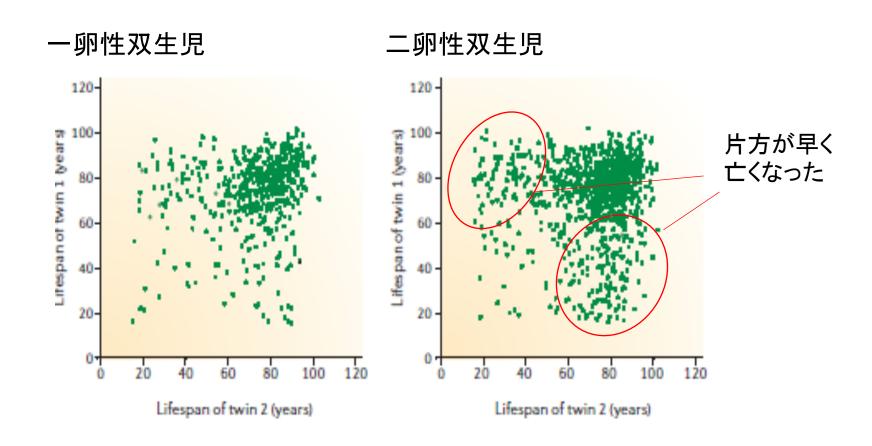
百寿者の100-102歳時点の日常生活活動度と認知機能



Arai Y, J Gerontol A Biol Sci Med Sci 2014; 69: 486 KTM2020 Takashi SASAKI

寿命の遺伝因子は20~30%

オランダ 2,872 組の双子を用いた調査(1996)



<u>寿命の遺伝因子は20~30%</u>

長寿とは関連は?

Herskind, A. M. *et al.* The heritability of human longevity: a population-based study of 2872 Danish twin pairs born 1870–1900. *Hum. Genet.* **97**, 319–323 (1996).

長寿遺伝子同定:長寿者と一般集団を比較

Q:長寿遺伝子をどうやって見つけるか?

A: 百寿者と一般集団を比較して差を見つける



比較対象: ・ゲノムDNA(遺伝子)配列

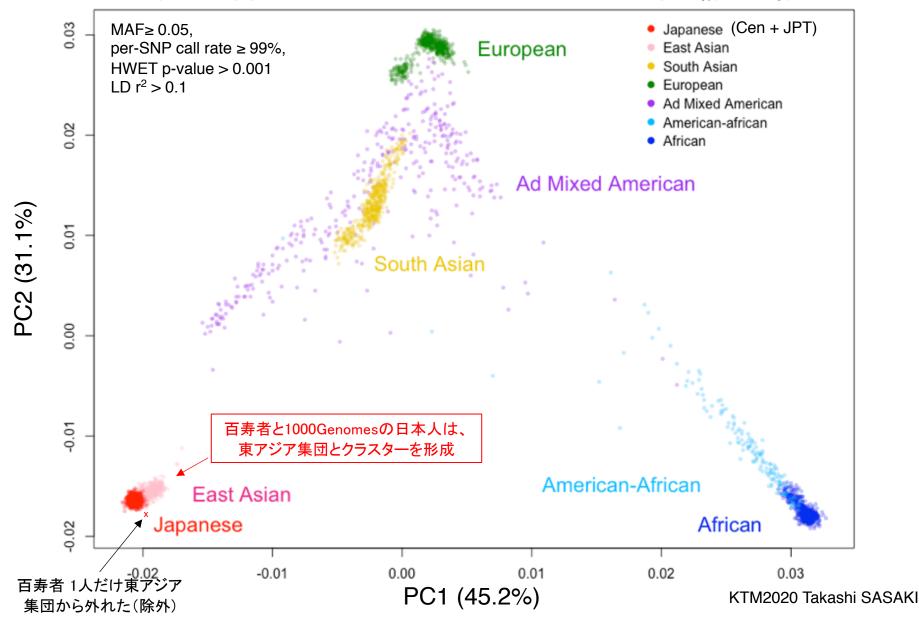
- 疾患関連遺伝子
- 全ゲノム配列網羅的解析

日本人百寿者の遺伝背景の確認方法(集団構造化解析)



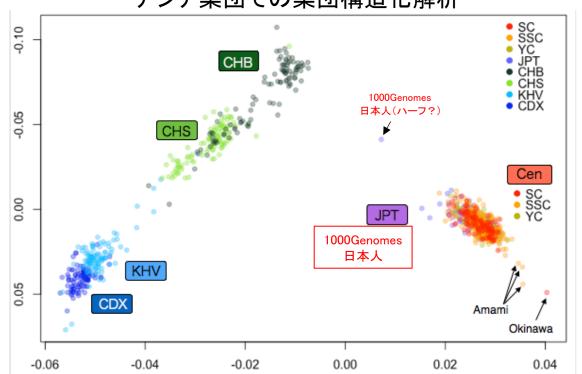
日本人百寿者は東アジア集団に含まれた

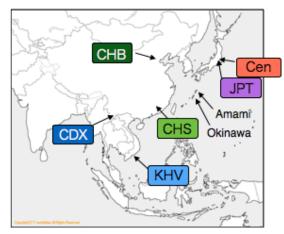




日本人百寿者は東アジア集団でも日本人とクラスターを形成

アジア集団での集団構造化解析







日本人 東京



漢民族 北京



漢民族 福建省·湖南省

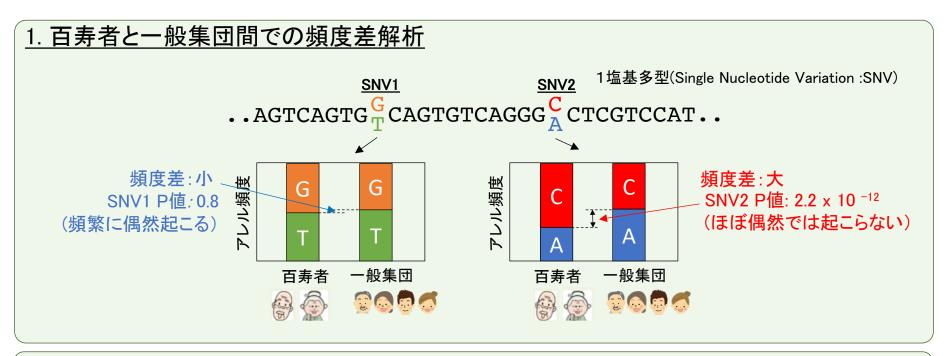


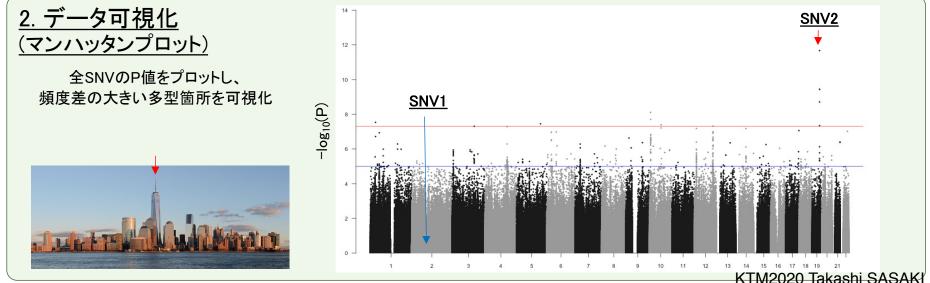
ベトナム ホーチミン市



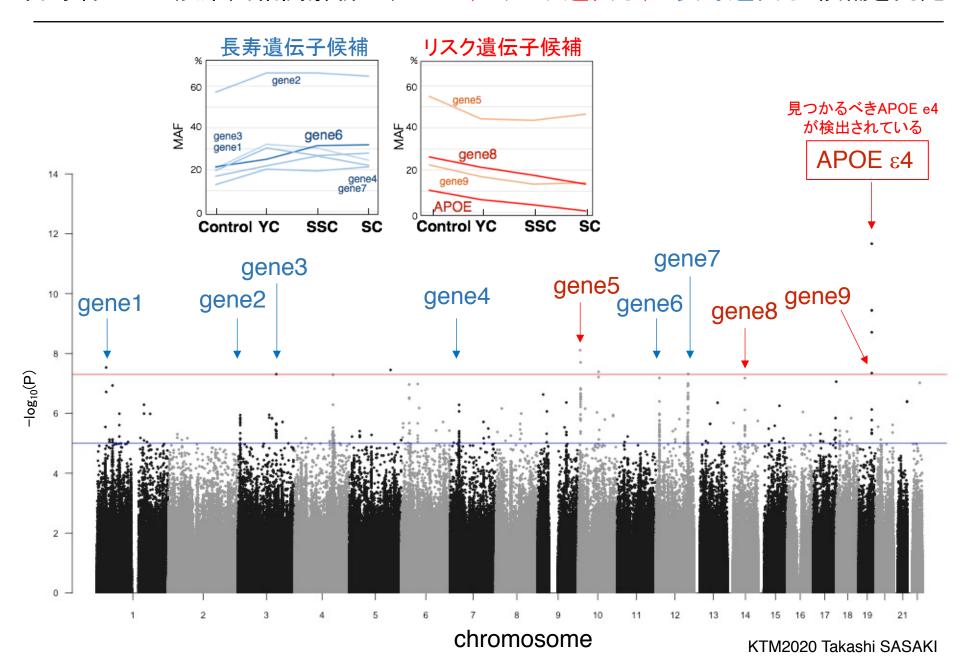
シーサンパンナ・タイ族自治州 (雲南省に住むタイ族系ル一族) KTM2020 Takashi SASAKI

長寿遺伝子同定 全ゲノム相関解析

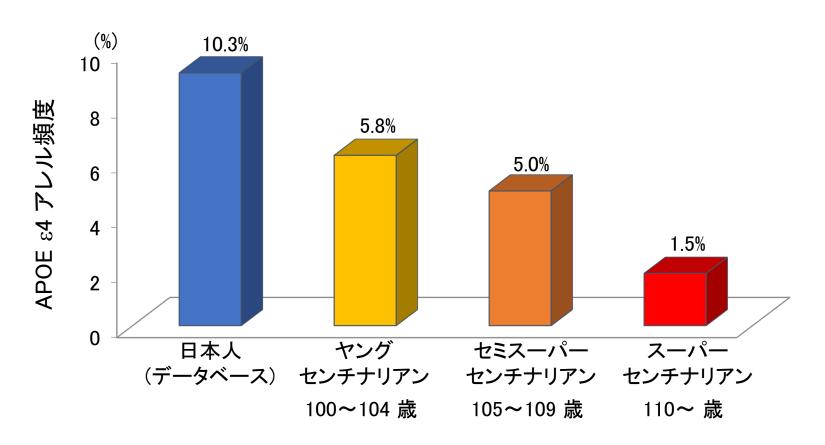




百寿者 vs 一般集団相関解析よりAPOE, 3リスク遺伝子, 6長寿遺伝子 候補を同定



日本人百寿者でのAPOE ε 4アレル頻度解析



百寿者 vs 一般集団相関解析よりAPOE, 3リスク遺伝子, 6長寿遺伝子 候補を同定

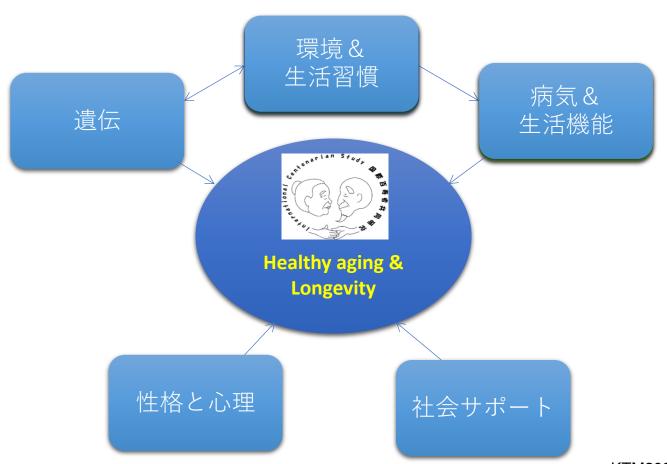
・APOE ε4をリスク遺伝子として同定

- 長寿で最も高いリスク遺伝子は、APOE
- 日本人百寿者は、他の世界長寿集団の類似した特徴を備えている

・3リスク遺伝子、6長寿遺伝子候補を検出

- 既知長寿遺伝子とは一致しない
- 同定した多型は既知疾患とは一致しない

Multiple Pathways to Healthy Longevity 健康長寿への道は一つではない



ACKNOWLEDGEMENT

本研究調査にご協力いただきました百寿者、超百寿者の方々、ならびにご家族、介護施設の方々、川崎市元気高齢者の皆様に深謝申し上げます。

慶應義塾大学医学部

百寿総合研究センター

阿部由紀子

志村美穂

平田 匠

西本祥仁

新井康通

広瀬信義

岡野栄之

予防医療センター

高山美智代

衛生学公衆衛生学

武林

医療政策・管理学

吉村公雄

東北メディカルメガバンク機構

木下賢吾 田高 周